


3) Progressives Alignment

a) u mit w: X A C C A T = u'
A A C C A T = w' (=w)

b) v mit {u', w'}

v mit u':  - A C G G A T
X A C - C A T Ähnlichkeit 2

v mit w': A C G G A T
A A C C A T Ähnlichkeit 0

Bestes Alignment: v mit u'

Füge an der entsprechenden Stelle ein Gap

in w' ein:

X A C - C A T

- A C G G A T

A A C - C A T

↖ neues Gap in u' → Gap in w'!

↖ neues Gap in w'

Feng-Doolittle

$u = \text{ACCAT}$

$v = \text{ACGGAT}$

$w = \text{AACCAT}$

$S(a,b) = 1$ für $a=b$, $S(a,b) = -1$ sonst

$g(k) = k$

1) Paarweise Alignments

u mit v: AC - CAT
 AC GGAT

Ähnlichkeit 2

u mit w: - ACCAT
 AACCAT

Ähnlichkeit 4

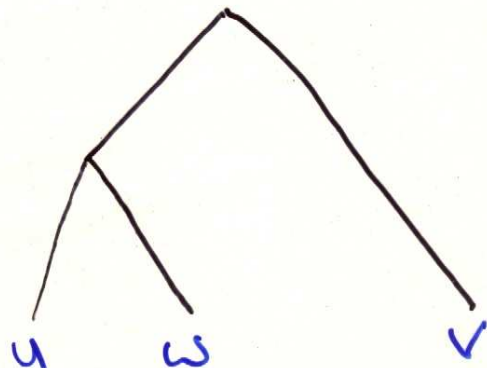
v mit w: A C GGAT
 AACCAT

Ähnlichkeit 0

Ähnlichkeits-Matrix

	u	v	w
w	4	0	6
v	2	6	
u	5		

2) Leitbaum



4) Resultierendes multiples Aligument

u - A C - C A T
v - A C G G A T
w A A C - C A T