

1. Übung Skriptsprachen in der Bioinformatik

Sommersemester 2014

Sascha Winter, Kai Dührkopp

Ausgabe: 11.08.2014

Aufgabe 1 Schreib ein Python-Skript, das den Pfad zu einer Fasta-Datei als Argument übergeben bekommt. Das Skript soll ein dict erzeugen, mit jedem in der Fasta enthaltenen Speziesnamen als Schlüssel. Der Eintrag zu dem Schlüssel soll eine List sein, die zu jedem Gen ein dict mit den Metadaten und der Sequenz als String enthält. Speziesname und Metadaten-Key sollen nach Möglichkeit automatisch bestimmt werden!

```
Bsp.: {"Homo sapiens": [{"gi":432134254, "ref": "NP_001258936.1",  
"description:iron-sulfur cluster assembly 2 homolog,  
mitochondrial isoform 2 precursor",  
"seq": "MAAAWGSSLTAATQRAVTPWPRGRLLTASLGPQARREASSSSPEAGEGQIRLTDSCVQGI" ]}]}
```