

1. Übung Skriptsprachen in der Bioinformatik

Sommersemester 2014

Sascha Winter, Kai Dührkopp

Ausgabe: 11.08.2014

Aufgabe 1 Schrieb ein Python-Skript, dass 4 Dateipfade als Parameter übergeben bekommt. Die ersten 3 Dateien sollen dabei eine .gff, eine .fasta Datei mit Proteinen und eine .fasta Datei mit Nucleotiden sein. Die 4 Datei ist die Ausgabe-Datei. Das python script soll die beiden Fasta-Dateien einlesen und mit den Informationen aus der .gff Datei zu einer GenBank Datei verschmelzen.