

11. Übung zur Vorlesung
“Einführung in die Bioinformatik I, 2. Teil”

Sommersemester 2016

Prof. Peter Dittrich, Marcus Ludwig

Ausgabe: 23. Juni 2016,
Abgabe: 07. Juli 2016 zu Beginn der Übung

Bonusaufgabe (10 Punkte): Verwenden Sie den Nussinov-Algorithmus um die Sekundärstruktur der RNA-Sequenz **GCACGACG** zu bestimmen. Die minimale Schleifenlänge beträgt 0. Berechnen Sie die DP-Tabelle N . Wie viele Watson-Crick-Paare enthält die optimale Lösung? Skizzieren Sie die resultierende Sekundärstruktur der optimalen Lösung.