

11. Übung zur Vorlesung  
“Einführung in die Bioinformatik I, 2. Teil”

Sommersemester 2017

Prof. Sebastian Böcker, Marcus Ludwig, Emanuel Barth, Maximilian Collatz

Ausgabe: 22. Juni 2017,  
Abgabe: 29. Juni 2017 zu Beginn der Übung

**Bonusaufgabe (10 Punkte):** Verwenden Sie den Nussinov-Algorithmus um die Sekundärstruktur der RNA-Sequenz **GCACGACG** zu bestimmen. Die minimale Schleifenlänge beträgt 0. Berechnen Sie die DP-Tabelle  $N$ . Wie viele Watson-Crick-Paare enthält die optimale Lösung? Skizzieren Sie die resultierende Sekundärstruktur der optimalen Lösung.