

11. Übung zur Vorlesung “Bioinformatische Methoden in der Genomforschung”

Sebastian Böcker, Martin Hoffmann

Ausgabe: 29.01.2018

Abgabe: 04.02.2018

Aufgabe 1 (5 Punkte)

Was ist Gibbs-Sampling? Erklären Sie möglichst in eigenen Worten, gehen Sie dabei auch auf Vorteile und Nachteile der Methode ein.

Aufgabe 2 (5 Punkte)

Erläutern Sie Bedeutung und Funktion der Z_i wie in der Vorlesung beschrieben. Wieso nehmen wir an, dass Z das Modell (Hypothese) darstellt und nicht die Position Weight Matrix (PWM)?

Aufgabe 3 (5 Punkte)

Was sind Pseudocounts? Erklären Sie Nutzen und Bedeutung für den Gibbs-Sampler