

# 12. Übung zur Vorlesung “Bioinformatische Methoden in der Genomforschung”

Sebastian Böcker, Martin Hoffmann

Ausgabe: 29.01.2020

Abgabe: -

## **Aufgabe 1** (5 Punkte)

Was ist Gibbs-Sampling? Erklären Sie möglichst in eigenen Worten, gehen Sie dabei auch auf Vorteile und Nachteile der Methode ein.

## **Aufgabe 2** (5 Punkte)

Erläutern Sie Bedeutung und Funktion der  $Z_i$  wie in der Vorlesung beschrieben. Wieso nehmen wir an, dass  $Z$  das Modell (Hypothese) darstellt und nicht die Position Weight Matrix (PWM)?

## **Aufgabe 3** (5 Punkte)

Was sind Pseudocounts? Erklären Sie Nutzen und Bedeutung für den Gibbs-Sampler