

12. Übung zur Vorlesung
“Einführung in die Bioinformatik I, 2. Teil”

Sommersemester 2021

Prof. Peter Dittrich, Emanuel Barth, Marcus Ludwig

Ausgabe: 01. Juli 2021,
Abgabe: 08. Juli 2021 per Email

Bonusaufgabe (10 Punkte): Verwenden Sie den Nussinov-Algorithmus um die Sekundärstruktur der RNA-Sequenz `GCACGACG` zu bestimmen. Die minimale Schleifenlänge beträgt 0. Berechnen Sie die DP-Tabelle N . Wie viele Watson-Crick-Paare enthält die optimale Lösung? Skizzieren Sie die resultierende Sekundärstruktur der optimalen Lösung.