3. Übung zur Vorlesung "Einführung in die Bioinformatik I, 2. Teil"

Sommersemester 2022

Prof. Sebastian Böcker, Prof. Peter Dittrich, Dr. Emanuel Barth, Kevin Lamkiewicz

Ausgabe: 26. April 2022, Abgabe: 03. Mai 2022 Briefkasten 15, Leutragraben 1 (JenTower)

Aufgabe 1 (3 Punkte): Gegeben die Ähnlichkeitsfunktion S mit S(a,a) = 1, S(a,b) = -1 für $a \neq b$ und S(a,-) = S(-,b) = -1 Berechnen Sie den Sum-of-Pairs-Score für eine Spalte mit k Einträgen, in der sich nur 'A's befinden und für eine Spalte mit k Einträgen, in der sich k-1 'A's und ein 'T' befinden. Vergleichen Sie die beiden Werte asymptotisch.

Aufgabe 2 (4 Punkte): Bestimmen Sie die besten Consensus-Sequenzen des multiplen Alignments

- 1. für obige Ähnlichkeitsfunktion S mit S(-,-)=0.
- 2. für die Ähnlichkeitsfunktion S' mit
 - S'(A, A) = 4, S'(C, C) = S'(G, G) = S'(T, T) = 2,
 - S'(C,G) = S'(G,C) = 1, S'(a,b) = -1 für alle anderen $a \neq b$, und
 - S'(a, -) = S'(-, b) = -1, S'(-, -) = 0.

Aufgabe 3 (8 Punkte): Berechnen Sie die Matrix D für das lokale multiple Alignment der drei Sequenzen u = ACAG, v = GGA und w = CAGG für den Sum-of-Pairs-Score zur Ähnlichkeitsfunktion S'' mit S''(a, a) = 3, S''(a, b) = -1 für $a \neq b$, S''(a, -) = S''(-, b) = -1 und S''(-, -) = 0. Schreiben Sie die zweidimensionalen Matrizen $D[i, j, 0], D[i, j, 1], \ldots, D[i, j, 4]$ einzeln auf. Was sind die optimalen Alignments, was ihre Ähnlichkeit?

Aufgabe 4 (5 Punkte): Erstellen Sie den (vollständig beschrifteten) Edit-Graphen für die Sequenzen $u=\mathtt{GTTC}$ und $v=\mathtt{GGAT}$

- 1. mit Einheitskosten
- 2. mit der Kostenfunktion

$$\delta(a,b) = \begin{cases} 0 & a = b \\ 1 & a,b \in \{\mathtt{A},\mathtt{G}\} \text{ und } a \neq b \\ & a,b \in \{\mathtt{C},\mathtt{T}\} \text{ und } a \neq b \\ 2 & sonst \end{cases}$$